

Снежана Булајић, Зора Мијачевић, Весна Калаба<sup>1</sup>

## НОВЕ СПОЗНАЈЕ О УЗРОЧНИЦИМА АЛИМЕНТАРНИХ ОБОЉЕЊА

### Кратак садржај

Широки спектар алиментарних инфекција се, током времена, значајно мења, како се добро окарактерисани патогени стављају под контролу или у потпуности елиминишу, а нови препознају. Нови патогени се идентификују као резултат било промењене екологије или промена у технологији које поуздују потенцијални патоген са ланцем хране, али и трансфером мобилних фактора вирулентије, врло често путем бактериофага. „Нови“ патогени се регрутују било из конзорцијума узрочника тзв. „тихих“ зооноза или оних који су одговорни за озбиљне инфекције код имунокомпромитованих особа. Сликовито речено, можемо очекивати неочекивано. Многи фактори представљају покретачку силу одговорну за испољавање алиментарних оболења, пре свега, промене у демографији, понашању и навикама људи, индустрији хране и технологији, тренд глобалне економије и централизоване производње и прераде хране, али и универзална способност адаптације микроорганизама.

**Кључне речи:** „*emerging*“ узрочници алиментарних оболења, фактори одговорни за испољавање алиментарних инфекција.

Snežana Bulajić, Zora Mijačević, Vesna Kalaba

## NEW INSIGHT INTO FOODBORNE DISEASES

### Abstract

The broad spectrum of foodborne infections has changed dramatically over time, as well-established pathogens have been controlled or eliminated, and the new ones have emerged. New pathogens can emerge because of changing ecology or changing technology that connects a potential pathogen with the food chain, but also by transfer of mobile virulence factors, often through bacteriophage. One may look for emerging pathogens among silent zoonoses, and among the severe infections affecting the immunocompromised humans. Literally, we should expect the unexpected. Emergence in foodborne infections is driven by multiple factors: changes in demographic characteristics, human behavior, industry and technology, shift to global economy and centralized food processing and microbial adaptation.

**Key words:** *emerging foodborne pathogens, factors contributing to the emergence of foodborne diseases.*

---

<sup>1</sup> Снежана Булајић, доцент, Зора Мијачевић, ред. професор, Факултет ветеринарске медицине, Београд, Булевар ослобођења 18; др Весна Калаба, ЈУ Ветеринарски институт Републике Српске „Др Васо Бутозан“, Бања Лука

## УВОД

Производња хране се може представити као динамичан сектор, где су потребе и захтеви потрошача од примарног значаја. Из овог разлога, сценарио којим се гарантује безбедност хране често је изложен променама које утичу на виталност и образац понашања патогених микроорганизама. Релевантан пример јесте *Listeria monocytogenes*, психротрофни микроорганизам који се препознаје као узрочник алиментарних оболења по успостављању хладног ланца у процесу чувања и дистрибуције хране.

Алиментарна оболења као последица индустрије контаминиране хране нису искључиво карактеристика земаља у развоју, већ имају значајног удела и у епидемиологији развијених земаља. У Америци, алиментарна оболења резултирају у 76 милиона регистрованих случајева болести, 325 000 хоспитализација и 5000 смртних исхода, уз трошкове процењене на 6,6 до 37,1 билион долара (Buzby и Roberts, 1996). Превенција алиментарних оболења је процес са много изазова, без једноставног и универзалног решења. Храна стиже до потрошача кроз дуге ланце индустријске производње, где постоје бројне могућности за контаминацију. Генерална стратегија превенције јесте разумевање механизама одговорних за контаминацију хране и трансмисију болести. Епидемиолошке студије морају ићи далеко даље и више од идентификације инкриминисане намирнице и повлачења исте из промета, и то у правцу дефинисања следа догађаја који омогућавају контаминацију хране микроорганизмима у броју довољном да проузрокује болест. Иако епидемије чине вест, чињеница је да се већина алиментарних оболења манифестишу као индивидуални или спорадични акциденти, што намеће потребу истраживања и разумевања извора и таквих случајева болести.

## ТРЕНДОВИ КОЈИ КАРАКТЕРИШУ АЛИМЕНТАРНА ОБОЉЕЊА САВРЕМЕНОГ СВЕТА

Интензивирани међународни промет robe, миграције и путовања људи убрзавају ширење патогених узрочника и контаминација хране, тиме повећавајући универзалну подложност људи болестима. У данашњем међуповезаном и међув зависном свету, локални акциденти алиментарних оболења постају потенцијална опасност за

цели свет. Процењује се да је око 30% новопрепознатих инфекција током последњих 60 година стијолошки везано за патогене којима храна представља уобичајени пут трансмисије (Jones i sar., 2008). Ово је наглашено процесом глобализације у производњи хране, што убрзава појаву и ширење нових и/или на антибиотике резистентних патогена. Глобална дисеминација патогена преносивих храном за последицу има појаву пандемија. Пример овога јесу мултиплорезистентни сојеви *Salmonella Typhimurium*, дефинисаних на основу фаготипизације као тип 104. Сојеви *Salmonella Typhimurium* DT104 појавили су се 1990. године истовремено у Европи и Северној Америци, примарно изоловани код говеда, а потом и других врста животиња (Tauxe, 1999). Од тада, DT104 комплекс сојеви се региструју у многим деловима света, али не и у Аустралији и Новом Зеланду. Гени резистенције на антибиотике код *Salmonella Typhimurium* DT104 сојева су кодирани на интегронима хромосома, и тиме могу, сами по себи, представљати мобилне пандемијске елементе. Илустративан пример јесте и пандемија *Yersinia enterocolitica* сојева серогрупе O3 и O9 у Европи и Јапану 70-их, односно у Северној Америци крајем 80-их година прошлог века. Резервоар ових сојева представљају свиње, код којих се инфекција клинички манифестише као благи фарингитис, а трансмисија на људе иде конзумацијом или контактом са сировим свињским месом или производима од истог меса (Lee i sar., 1990a, b). Генерални тренд међу патогенима, узрочницима алиментарних оболења јесте повећана преваленца сојева резистентних на антибиотике. Селекција резистентних сојева међу оним патогенима којима примарни резервоар представљају животиње, остварује се селективним притиском на основу неоправдане, несавеснне и прекомерне употребе антибиотика у третману и превенцији болести животиња, али и као промотора раста. Појава тзв. везане резистенције, као што је пента-резистенција код DT104 сојева *S. Typhimurium*, од посебног је значаја будући да примена једног од антибиотика селективно делује на присуство свих пет гена резистенције, и тиме сојеви остварују селективну предност у случају администрирања ампицилина, флорфеникола, стрептомицина, сулфонамида или тетрациклина. Преваленца пента-резистентних сојева *Salmonella* spp. пореклом људи на подручју САД је 11%, а поједини сојеви су стекли резистенцију и

на гентамицин и трећу генерацију цефалоспорина (CDC, 2002). Поред пандемијске форме и феномена антибиотске резистенције, трећи присутан тренд који карактерише алиментарна оболења новијег датума јесте препознавање оних патогена чију „target“ групу представља специфична, високоризична субпопулација људи. *L. monocytogenes* је типичан представник опортунистичких патогена, одговорних за озбиљна оболења код старијих особа, имунокомпромитованих индивидуа, трудница, уз клиничку манифестију септикемије, менингитиса и побачаја; 25% дијагностикованих инфекција резултира смрћу (Slutsker и сар., 2000). Као инкриминисане намирнице углавном су означени непастеризовани производи од млека или „ready-to-eat“ месо. Код здравих домаћина, инфекција са листеријама, ингестираним у великом броју, манифестију се једино фебрилним гастроентеритисом. Други такав опортунистички патоген је *V. vulnificus*, који проузрокује бактеријемију и некротизирајући фасцитис код особа са поремећеном функцијом јетре; стопа смртности је 50%, док се код здравих индивидуа инфекција овим узрочником ретко јавља. Предиспозиција имунокомпромитованих особа ка алиментарним оболењима остварује се постојањем упалних болести превра, малигнитета, имуно-супресивне медикације, хроничних стања различите етиологије, и HIV/AIDS инфекција (Trevejo и сар., 2005). Поред тога, глобална имунокомпромитована популација људи наставља да расте услед HIV/AIDS епидемије, пружујећи животног века код особа са болестима имунодефиџенције, као и примене хемотерапеутика и имуно-супресивних лекова у терапији канцера и трансплантији органа. Процењује се да је 3,6% америчке популације имунодефиџентно, односно 20% када се том броју припадају труднице и старије особе (Gerba и сар., 1996).

### „НОВИ“ ПАТОГЕНИ – УЗРОЧНИЦИ АЛИМЕНТАРНИХ ОБОЉЕЊА

Спектар патогених микроорганизма, узрочника алиментарних оболења, током времена се значајно мења. Више је разлога за то. С једне стране, патогени, чији су механизми трансмисије добро простудирани, стављени су под контролу. Илустрација за ово јесте чињеница да *Brucella*, *Clostridium botulinum*, *Salmonella typhi*, *Trichinella* и токсогени *V. cholerae*, као главни узрочници алиментарних оболења пре 1900. године, у да-

нашње време се идентификују у свега 0,01% случајева алиментарних инфекција. Тифоидна гроздица, туберкулоза и бруцелоза представљају се у првим декадама 19. века главне инфекције алиментарног карактера (Rosenau, 1926), али по увођењу мера санитације и пастеризације, контроле болести у узгојима животиња, ова стања више не карактеришу алиментарна оболења индустиријализованог света (Tauxe и Esteban, in press).

Међутим, јављају се нови патогени било услед мутација или колонизације нових ниша у ланцу хране. Поред тога, тренд присутан у целом свету јесте повећање популације изузетно осетљивих индивидуа, компромитованог имуношког статуса, чиме се спектар узрочника алиментарних инфекција проширује, укључујући и опортунисте. Као резултат тога, фреквенција специфичних инфекција се мења одражавајући баланс између екологије која подржава популацију микроорганизама, контаминената намирница, и културолошких образаца, пре свега навика у исхрани, као и технологија које лимитирају или спречавају контаминацију матрикса намирница. У последњих 20 година идентификују се „нови“ инфективни агенси, било препознати као сасвим нови или пак као раније идентификовани патогени, али тек у новије време повезани са трансмисијом путем хране, тзв. „emerging pathogens“ (табела 1).

**Табела 1.** Нови патогени, узрочници алиментарних оболења, и патогени од раније познати, али чија се трансмисија у новије време довођу у везу са храном

<i>Campylobacter jejuni</i>
<i>Campylobacter fetus</i> ssp. <i>fetus</i>
<i>Cryptosporidium cayetanensis</i>
<i>Escherichia coli</i> O157:H7 and related <i>E. coli</i> (e.g., O111:NM, O104:H21)
<i>Listeria monocytogenes</i>
Norwalk-like viruses
<i>Nitzschia pungens</i> (cause of amnesic shellfish poisoning)
<i>Salmonella Enteritidis</i>
<i>Salmonella Typhimurium</i> DT 104
<i>Vibrio cholerae</i> O1
<i>Vibrio vulnificus</i>
<i>Vibrio parahaemolyticus</i>
<i>Yersinia enterocolitica</i>

Многи аутори тзв. „*emerging*“ инфекције дефинишу на следећи начин:

1. Инфекције чија инциденца расте у последње две дескаде или се пак предвиђа повећана инциденца оболења у скоријој будућности;
2. Нове инфекције које резултирају из промена или еволуирања постојећих организама;
3. Познате инфекције које се шире на нова географска подручја или на до сада незахваћене популације људи;
4. Старе инфекције, односно узрочници већ препознати као патогени, али који су представљени кроз нове вехикулуме, намирнице које претходно нису биле инкриминисане у случајевима алиментарних оболења;
5. Претходно непропознате алиментарне инфекције.

Од 1997. ови „*emerging*“ патогени се региструју у фреквенцији приближно један на сваке две године. Многи од њих су зоонотског карактера са појединим заједничким карактеристикама. Њихова зоонотска природа указује на клинички инапарентно оболење код животиње домаћина, где делују више као комензални микроорганизми. Примарни резервоар представљају животиње, где се успостављају кроз период дуготрајног кликоноштва. У малим дозама узрокују инфекције људи, а преносе се намирницама које нису изложене третману термичке обраде, или третман није био адекватан. Како је већина ових узрочника зоонотске природе, и по својој еколођији се примарно везују за животиње, то их сигурно можемо потражити на индексу ветеринарских приручника инфективних болести. Постоји испитивања о начину на који животиње бивају инфициране овим патогенима и путевима трансмисије међу животињима упућују на контаминирано крмно биље и воду, те превенирање ових акцидената подразумева и осигурување безбедности онога што животиње једу и пију.

Поред тога, „*emerging*“ патогене можемо тражити и међу необичним и егзотичним опортунистичким агенсима који проузрокују озбиљне болести код имунокомпромитованих особа. Објашњење зашто пре није уочена ова веза лежи у чи-

њеници да рутинске методе култивације могу идентификовати патогене из крви и других стерилних места, док се за изолацију патогена из фецеса и намирница захтевају селективне методе, односно селективни медијуми. *C. jejuni* је прво идентификован као патоген људи и препознат као узрочник ретких случајева бактеријемије код леукемичне деце (King, 1962), мада је уочено да је фази бактеријемије претходила дијареја. Висока фреквенција кампилобактериозе код дијареје деце препозната је увођењем селективних метода у култивацији фецеса. Наредна епидемијолошка испитивања су имплицирала живинско месо и сирово млеко као најчешће изворе спорадичних инфекција, али и епидемија изазваних са *Campylobacter spp.* (Tauxe, 1992). Постоје и друге *Campylobacter* врсте, поједине од њих одговорне за бактеријемију код компромитованих домаћина, од којих су поједине врсте инхибисане применом селективних медијума примењивих у изолацији *C. jejuni* из фецеса. Потрага за овим врстама применом неселективних медијума даје могућност идентификације, мада остаје да се разјасни статус истих као патогена (Engberg i sar., 2000). Могуће је да су неке од ових врста ентерични патогени, посебно код имунокомпромитованих пацијената (Lastovica и Skirrow, 2000).

Нови патогени могу еволуирати из нових екологија или технологија које представљају постојеће патогене кроз ланац хране на нови и за нас изненађујући начин. Пример за ово јесте случај оболења код 1465 особа у 20 држава, дистриктка Колумбија и две канадске провинције са симптомима рекурентне дијареје и екстремног замора, проузроковано недавно препознатим паразитским агенсом, *Cyclospora cayetanensis* (Hegewaldt, 2000). Оболење се доводи у везу са конзумацијом свежих малина, увезених током пролећа из Гватемале. Начин контаминације малина није познат, мада су истраживачи у Гватемали потврдили да је исти организам одговоран з3 пролећни талас дијареје код деце радника на фарми малина, а начин преноса је путем контаминиране воде (Bern i sar., 1999). Усвајањем хигијенских мера на фарми и променом услова живота у породицама радника на фарми, оболење се више не региструје. Неке важна запажања су остала неразјашњена: зашто малине убрајане са

истих фарми током лета нису биле повезане са болешћу, или зашто купине убрانе са истих фарми у исто време кад и инкриминисане малине нису послужиле као „вехикулум“ патогена? Овај случај алиментарног оболења је графички пример како се нови и неочекивани патоген изненада „појави“. Нови патогени могу еволуирати и кроз процес стицања нових карактеристика вируленције. Многи ентерични патогени имају факторе вируленције локализоване на мобилним генетичким елементима и могуће је да стичу критичан капацитет патогености кроз процес хоризонталног трансфера. Недавно је потврђено да *V. cholerae* O1, узрочни агенс колере, „удомљава“ фаге, носиоце токсин гена (Waldor и Mekalanos, 1996), кључних фактора вируленције. Управо хоризонталним трансфером гена одговорних за синтезу колера токсина могу се попунити празнине и досадашње нејасноће у епидемиологији *V. cholerae* O1. *E. coli* O157:H7 је први пут идентификована 1976, а први пут описана као патоген људи 1982, иако су методе серотипизације примењиве у карактеризацији дотичног патогена постављене пола столећа раније. Најкарактеристичнији клинички синдром проузрокован *E. coli* O157:H7 јесте хемолитички уремични синдром, описан тек средином 50-их година у руралним подручјима Швајцарске, иако се могао лако дијагностицирати од стране било којег истакног патолога деценцијама пре (Gasser и сар., 1955). Кључни фактор вируленције овог организма је *Shiga* токсин, чије су генетске детерминанте ношene и преносиве путем неколико различитих фага. Недавна испитивања потврђују да се фаг мобилизује у специфичним условима. Један од најснажнијих индуктора мобилизације фага јесте излагање организма сублеталним дозама одређеним антимикробним агенаса (Zhang и сар., 2000). Лабораторијска испитивања, али и хисторијски контекст указују на то да је дотични патоген могао еволуирати током, или пак као резултат антибиотске ере и последичног повећања трансфера фага. Потребно је боље разумевање фактора одговорних за мобилизацију, али и стабилност елемената вируленције, као и еколођије фага, носиоца истих детерминанти вируленције. И остали, мање окарактерисани зоонотски патогени, узрочници алиментарних оболења, као што су *S. Enteritidis* ili *S. Typhimurium* DT104, ili *Y. enterocolitica*

*enterocolitica* серогрупе O3 или O9 такође могу бити резултат ширења за сада још недокументованих мобилних фактора вируленције. У случају *Y. enterocolitica*, утврђена је повезаност између плазмида, носица детерминанти вируленције и својства резистенције на арсен (Neyt и сар., 1997). Плазмидом посредована резистенција на арсен може омогућити појединим сојевима *Y. enterocolitica* селективну предност, посебно у узгојима свиња, где се у антиспирохетном третману користио арсен, и где арсен још увек перзистира. Претпоставка јесте да се старим антимикробним третманом могу селектовати нови фактори вируленције.

Квантум знања о еколођији ових нових зоонотских патогена, о улози трансмисије путем сточне хране и воде на фарми у сталном је порасту. *C. jejuni* се брзо шири у јатима пилића кроз систем пијаће воде. *S. Enteritidis* може имати посредни резервоар у популацији глодара, када се реинфекције младих пилића дешавају контаминацијом хранива будући да дотични агенс опстаје у ванском средини. *E. coli* O157:H7 можда не перзистира у говедима толико колико у околишу, будући да преживљава у води кроз дуги период времена. Примена антимикробних агенаса у суптерапетским дозама може смањити резистенцију животиња на *Salmonella* организме кроз ефекат компетитивног искључења. Сасвим је сигурно да и масовни узгој, односно велика концентрација животиња у интензивним системима узгоја повећава трансмисију зооноза међу животињама. Интензивна пољопривредна производња подсећа на ранију индустриску револуцију, где на почетку 19. века популација људи концентрисана у градовима бива изложена различитим епидемијама алиментарног карактера, као што су тифоидна грозница, колера и дизентерија. Ова оболења су стављена под контролу систематским напорима у сакупљању и адекватном третману канализацијског отпада, како би се спречила контаминација хране и воде. Сходно овоме, главна активност у превенцији нових алиментарних оболења подразумевала би спречавање контаминације сточне хране и воде.

*Vibrio vulnificus*, *Escherichia coli* O157:H7, и *Cyclospora cayetanensis* су класични примери новоописаних патогена, често преносивих храном.

*Vibrio vulnificus* је изолован из крви пацијената са оболењем јетре, уз симптоме изненадне и јаке инфекције по конзумацији сирових острига или услед изложености морској води (Blake и сар., 1979). Овај организам обитава у мору и може представљати, пре свега, током летњих месеци, комензал морских мекушаца. *E. coli* O157:H7 је идентификована као патоген 1982. године, у случају кrvаве дијареје доведене у везу са конзумацијом хамбургера у ланцу брзе хране; убрзо је потврђено да резервоар ових микроорганизама представљају здрава говеда (Martin и сар., 1986). *Cyclospora*, позната претходно као „*cyanobacteria* сличан“ организам, таксономски је постављен на 1992. године, а идентификована као патоген у случају оболења повезаним са малинама увезеним из Гватемале (Ortega и сар., 1993; Herwaldt и Ackers, 1997). Сличност *Cyclospora* са *Eimeria*kokцидијалним патогенима у птица упућује на авијарни резервоар.

### ФАКТОРИ ОДГОВОРНИ ЗА ИСПОЉАВАЊЕ „EMERGING“ АЛИМЕНТАРНИХ ОБОЉЕЊА

У наредних 50 година очекују се главне демографске промене у светској популацији. Прорачуни показују да се 2050. очекује три пута више старијих особа (старости преko 65 година) него 2002. године, са учешћем у глобалној популацији од 17% (Bureau, 2004). Из многих разлога, популација старијих особа је изложенија ризику од алиментарних оболења, пре свега услед ослабљеног имунолошког система, пратећих инфекција хроничног карактера, дуже хоспитализације, перманентне катетеризације, смањење апсорпције нутритивних материја, реналне инсуфицијенције и непожељне интеракције са лековима.

Промене у хранидбеним навикама људи омогућавају идентификацију микробиолошких хазарда представљених кроз намирнице које до сада нису биле инкриминисане у случајевима алиментарних инфекција. Потрошња свежег воћа и поврћа је порасла за приближно 50% у периоду од 1970. до 1994. године. У Америци, повећана потрошња свежих намирница резултирала је у серији случајева алиментарних оболења повезаних са намирницама као што су дије, зелени лук, непастеризовани сок од јабуке, зелена салата,

тат, малине, парадајз и смрзнуте јагоде. Поред тога, храна се све више конзумира на јавним местима, у ресторанима, баровима, а присутна је и пракса држања „хазардне“ хране на температурама које дозвољавају умножавање патогена иницијално присутних у малом броју, као и недовољна термичка обрада хране, те могућа унакрсна контаминација термички претходно третираних производа.

Веома важан фактор јесте и постојећи тренд све веће географске дистрибуције хране из великих централизованих производних и прерадивачких капацитета, што за собом повлачи ризик од тзв. дисперзних случајева алиментарних оболења. Овакав профил се не манифестије повећањем броја акцидената локалног карактера, већ дифузним повећањем броја, наизглед спорадичних случајева оболења, регистрованих на различитим подручјима. Повећање броја акцидената на појединим подручјима често не привуче пажњу медицинских служби, те се такви случајеви понекад могу регистровати искључиво тако што су изоловани сојеви изложени суптилизацији у референтним лабораторијама, чиме постоји могућност компарације сојева пореклом са различитих подручја (пример PulseNet у Америци и EnterNet у Европи). Исто тако, индустријска консолидација и масовна дистрибуција хране може резултирати у епидемијама алиментарних оболења. Не мање значајан фактор јесте и интензивирање међународног промета робе и путника. У 2010. години очекује се 937 милиона међународних путника у поређењу са 5 милионима, колико их је регистровано 1950. године (Paci, 1995). Овакав сценарио врло често подразумева изложеност путника патогенима који нису уобичајени, тзв. „егзотичним“ агенсима, па се компликује дијагноза и третман по испољавању клиничких симптома доласком у место боравка.

### ЗАКЉУЧАК

Можемо очекивати неочекивано. „Нови“ патогени ће се, вероватно, и даље препознавати, а претходно већ познати, идентификовани патогени јављати кроз нове „вехикулуме“, матриксе „неубичајених“ намирница. Светска популација људи, чија се просечна животна доб повећава, а удео старих, имунокомпромитованих особа ра-

сте, бива изложена већем ризику од алиментарних оболења. Континуирана глобализација производње хране и повећани међународни промет robe и путника уз комбинацију нових кухиња, нових технологија у производњи и преради хране, и захтева потрошача за новим, свежим производима, представља изазов са којим се ваља сусрести. Права реакција је могућа само успостављањем флексибилног јавног система здравства, као и систематским и опсежним програмом надзора и контроле, уз интензивирање научних истраживања како би се пронашла адекватна решења.

#### РЕФЕРЕНЦЕ

1. Buzby, J., Roberts, T., 1996. *ERS updates U.S. foodborne disease costs for seven pathogens*. Food Review 19, 20–25.
2. Rosenau, M. J., 1926. *Preventive medicine and Hygiene*. D Appleton and Company, New York.
3. Tauxe, R., Esteban, E., *Advances in food safety and the prevention of foodborne disease*. In: Ward, J., Warren, C. (Eds.), *achievements in Public Health: 1900–1999*. University Press Oxford, Oxford, in press.
4. Blake, P. A., Merson, M. H., Weaver, R. E., Hollis, D. G., Heublein, P. C. *Disease caused by a marine vibrio: clinical characteristics and epidemiology*. N. Engl J Med 1979; 300: 1–5.
5. Martin, M. L., Shipman, L. D., Wells, J. G., Potter, M. E., Hedberg, K., Wachsmuth, I. K., et al. *Isolation of Escherichia coli O157:H7 from dairy cattle associated with two cases of hemolytic uremic syndrome*. Lancet 1986; 2: 1043.
6. Ortega, Y. R., Sterling, C. R., Gilman, R. H., Cama, V. A., Diaz, F. *Cyclospora species – a new protozoan pathogen of humans*. N. Engl J. Med 1993; 328: 1308–12.
7. Herwaldt, B. L., Ackers, M. L., *The Cyclospora Working Group. International outbreak of cyclosporiasis associated with imported raspberries*. N Engl J Med. In press 1997.
8. Jackson, L. A., Wenger, J. D. *Listeriosis: a food-borne disease*. Infections in Medicine 1993; 10: 61–6.
9. Dekeyser, P. J., Gossin-Detrain, M., Butzler, J. P., Sternon, J. *Acute enteritis due to related Vibrio; first positive stool cultures*. J Infect Dis 1972; 125: 390–2.
10. Tauxe, R. V. *Epidemiology of Campylobacter jejuni infections in the United States and other industrialized nations*. In: Nachamkin I., Blaser MJ, Tompkins L, editors. *Campylobacter jejuni: current status and future trends*, eds. Washington (DC): American Society of Microbiology, 1992. Pp. 9–19.
11. Tauxe, R. V., Vandepitte, J., Wauters, G., Martin, S. M., Goosens, V., DeMol, P., et al. *Yersinia enterocolitica infections and pork: the missing link*. Lancet 1987; 1: 1129–32.
12. Tauxe, R., 1999. *Salmonella enteritidis and Salmonella typhimurium DT104: successful subtypes in the modern world*. In: Scheld, W.M., Craig, W., Hughes, J. (Eds.), *Emerging Infections*, vol. 3. ASM Press, Washington, DC, pp. 37–52.
13. Jones, K. E., Patel, N. G., Levy, M. A., Storeygard, A., Balk, D., Gittleman, J. I., Daszak, P., 2008. *Global trends in emerging infections diseases*. Nature 451, 990–993.
14. Bureau, United States Census, 2004. Global Population at a Glance: 2002 and Beyond.
15. Gerba, C. P., Rose, J. B., Haas, C. N., 1996. *Sensitive populations: who is at the greatest risk?* International Journal of Food Microbiology 30, 113–123.
16. Trevejo, R. T., Barr, M. C., Robinson, R. A., 2005. *Important emerging bacterial zoonotic infections affecting the immunocompromised*. Veterinary Research 36, 493–506.
17. Lee, L. A., Gerber, A. R., Longsway, D. R., Smith, J. D., Carter, G. P., Puhr, N. D., Parrish, C. M., Sikes, R. K., Finton, R. J., Tauxe, R. V., 1990a. *Yersinia enterocolitica O:3 infections in*

- infants and children, associated with the household preparation of chitterlings.* New England Journal of Medicine 322, 984–987.
18. Lee, L. A., Taylor, J., Carter, G. P., Quinn, B., Farmer, J. J., Tauxe, R. V., 1990b. *Yersinia enterocolitica O:3: an emerging cause of pediatric gastroenteritis in the United States.* Journal of Infectious Diseases 163, 660–663.
19. CDC, 2002. National Antimicrobial Resistance Monitoring System for Enteric Bacteria – Annual Report for 2000, CDC. 2002 – <http://www.cdc.gov/ncidod/dbmd/narms/>
20. Slutsker, L., Evans, M. C., Schuchat, A., 2000. *Listeriosis.* In: Scheld, W.M., Craig, W., Hughes, J. (Eds.), Emerging Infections, vol. 4. American Society for Microbiology Press, Washington, DC, pp. 83–106.
21. King, E. O., 1962. *The laboratory recognition of Vibrio fetus and closely related Vibrio species isolated from cases of human vibriosis.* Annals of the New York Academy of Sciences 98, 700–711.
22. Lastovica, A. J., Skirrow, M. B., 2000. *Clinical significance of Campylobacter and related species other than Campylobacter jejuni and C. coli.* In: Nachamkin, I., Blaser, M.J. (Eds.), Campylobacter, 2nd ed. American Society for Microbiology, Washington, DC, pp. 89–120.
23. Herwaldt, B., 2000. *Cyclospora cayetanensis: a review, focusing on the outbreaks of cyclosporiasis in the 1990s.* Clinical Infectious Diseases 31, 1040–1057.
24. Bern, C., Hernandez, B., Lopez, M. B., Arrowwood, M. J., de Mejia, M. A., de Merida, A. M., Hightower, A. W., Venczel, L., Herwaldt, B. L., Klein, R. E., 1999. *Epidemiologic studies of Cyclospora cayetanensis in Guatemala.* Emerging Infectious Diseases 5, 766–774.
25. Waldor, M., Mekalanos, J., 1996. *Lysogenic conversion by a filamentous phage encoding cholera toxin.* Science 272, 1910–1914.
26. Gasser, C., Gautier, E., Steck, A., Siebenmann, R. E., Oechslin, R., 1955. *Haemolytisch-uraämische syndrome: bilaterale nierenrindennekrosen bei akuten erworbenen haemolytischen anamien.* Schweizerische Medizinische Wochenschrift 85, 205–209.
27. Zhang, X., McDaniel, A. D., Wolf, L. E., Keusch, G. T., Waldor, M. K., Acheson, D. W. K., 2000. *Quinolone antibiotics induce Shiga toxin-encoding bacteriophages, toxin production, and death in mice.* Journal of Infectious Diseases 181, 664–670.
28. Neyt, C., Iriarte, M., Thi, V. H., Cornelis, G. R., 1997. *Virulence and arsenic resistance in Yersinia.* Journal of Bacteriology 179, 612–619.
29. Blake, P. A., Merson, M. H., Weaver, R. E., Hollis, D. G., Heublein, P. C. *Disease caused by a marine vibrio: clinical characteristics and epidemiology.* N Engl J Med 1979; 300: 1–5.
30. Martin, M. L., Shipman, L. D., Wells, J. G., Potter, M. E., Hedberg, K., Wachsmuth, I. K., et al. *Isolation of Escherichia coli O157:H7 from dairy cattle associated with two cases of hemolytic uremic syndrome.* Lancet 1986; 2: 1043.
31. Ortega, Y. R., Sterling, C. R., Gilman, R. H., Cama, V. A., Diaz, F. *Cyclospora species – a new protozoan pathogen of humans.* N Engl J Med 1993; 328: 1308–12.
32. Herwaldt, B. L., Ackers, M. L., *The Cyclospora Working Group. International outbreak of cyclosporiasis associated with imported raspberries.* N Engl J Med. In press 1997.
33. Paci, E. *Exploring new tourism marketing opportunities around the world. Proceedings of the Eleventh General Assembly of the World Tourism Organization;* 1995 Oct 15; Cairo, Egypt. Cairo, Egypt: World Tourism Organization; 1995.